

XXXIX CONGRESO DE LA SOCIEDAD ESPAÑOLA DE GENÉTICA

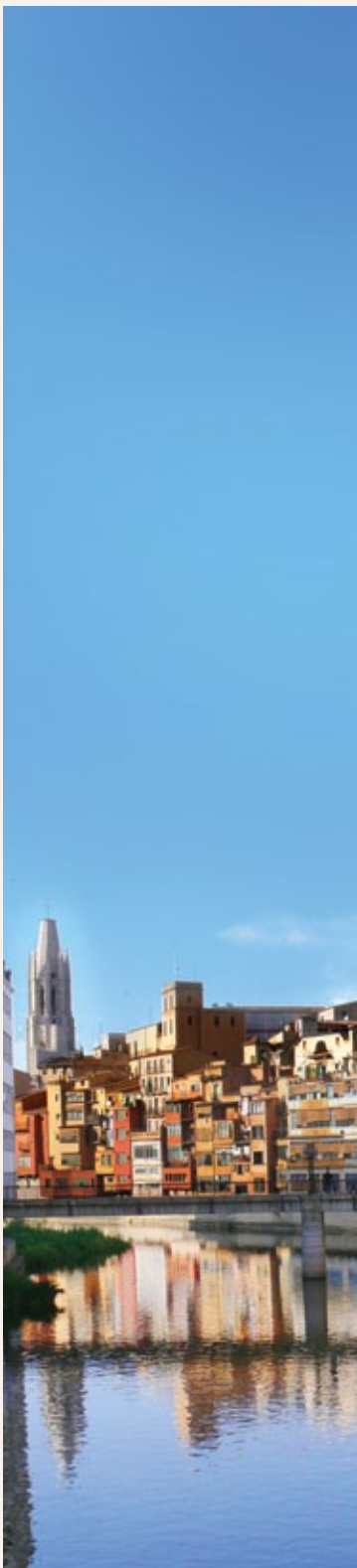
 **SEG 2013**
GIRONA
18-20 de septiembre

Programa oficial



Laboratori d'Ictiologia Genètica
Universitat de Girona

Carta de bienvenida



La Sociedad Española de Genética (SEG) organiza la 39ª edición de su reunión científica oficial de carácter general que celebra bienalmente. El congreso tendrá lugar en la ciudad de Girona en los días 18, 19 y 20 de Septiembre de 2013 y se prevé la asistencia de unos 300 congresistas.

Coincidiendo con el congreso se entregan los Premios Nacionales de Genética, que materializan el reconocimiento a la excelente labor científica de nuestros profesionales más destacados, instituidos por la SEG en 2009.

En este periodo, el congreso general de la SEG ha experimentado un notable proceso de consolidación como foro de referencia para la presentación, difusión e intercambio de las últimas aportaciones en los campos de la genética y la biología moleculares en España. Los conocimientos aportados desde estos campos de la ciencia han supuesto una auténtica revolución y han permitido el desarrollo de avances científicos de alto impacto en nuestra sociedad.

El instrumento de comunicación científica emblemático de la SEG es el Congreso Nacional de Genética, de periodicidad bienal, instaurado en 1997 sustituyendo a las Jornadas de Genética Luso-Españolas. A lo largo de sus numerosas ediciones, este congreso ha puesto de manifiesto el desarrollo que ha tenido la Genética en España hasta alcanzar el elevado nivel científico que la caracteriza en la actualidad.

El XXXIX Congreso de la SEG quiere favorecer la presentación del mayor número posible de trabajos en forma de comunicación oral. Los interesados en presentar una comunicación oral deberán enviar su propuesta de resumen antes del 31 de Mayo a través de la web del congreso.

Como presidente del Comité Organizador, y en nombre de la Junta Directiva de la SEG, queremos daros la bienvenida al congreso y esperamos poder contar con vuestra participación. Estamos a vuestra disposición para cualquier información adicional.

A handwritten signature in black ink, appearing to read 'CPla Zanuy'.

Carles Pla Zanuy

Presidente del Comité Organizador

Comité organizador

Rosa María Araguas Solà

Núria Sanz Ball-Ilosera

David Díez del Molino

José Luis García Marín

Sandra Heras Mena

Luis Peñarrubia Lozano

Carles Pla Zanuy - Presidente

Marina Roldán Borassi

Manel Vera Rodriguez

Oriol Vidal Fàbrega

Jordi Viñas de Puig

Comité científico

Mar Albà

Marcel Amills

José Luis García-Marín

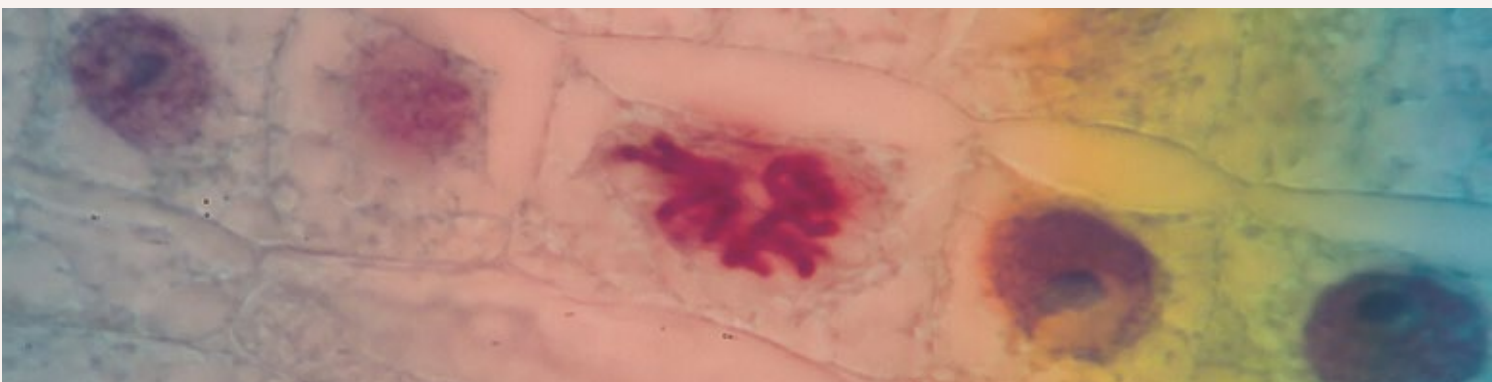
María Pla

Julio Rozas

Lucas Sánchez

Jordi Surrallés

Santiago Torres



Programa

Miércoles 18 de septiembre

14:00 - 19:00

Registro y Recogida de Documentación

14:00 - 20:00

Colocación de Paneles

16:15

Apertura del Congreso

16:30 - 18:00

Sesiones paralelas

1. Genética de Poblaciones y Evolución Molecular.

Coordinador: Julio Rozas, Departament de Genètica. Universitat de Barcelona.

Conferenciante: Toni Gabaldón. Bioinformatics Group. Centre de Regulacio Genomica (CRG), Barcelona.

Una visión genómica a la filogenia de genes y especies.

Comunicaciones Orales:

Análisis global de las inversiones polimórficas en el genoma humano. Mario Cáceres.

Caracterización molecular de puntos de rotura de inversiones en *Drosophila subobscura*: complejo E1+2. Eva Puerma

El genoma de los cerdos ferales de la Isla del Coco (Costa Rica). Erica Bianco

Descubrimiento de marcadores SNP en el atún blanco (*Thunnus alalunga*) mediante amplificación cruzada entre especies. Urtzi Laconcha

2. Genética de Microorganismos

Coordinador: Santiago Torres. Departamento de Genética y Microbiología. Universidad de Murcia.

Conferenciante: Antonio di Pietro. Departamento de Genética. Universidad de Córdoba.

Disección genética del quimiotropismo en el hongo patógeno *Fusarium oxysporum*.

Comunicaciones Orales:

Función de los pequeños RNAs endógenos en la patogénesis del hongo *Mucor circinelloides*. Francisco Esteban

Papel del sistema ParABS en la organización y segregación del cromosoma en la bacteria *Myxococcus xanthus*. Antonio Iniesta

Candidatus *Tremblaya princeps*, alter ego microbiano del "Caballo de Troya". Sergio López Madrigal

Fotorrecepción en *Phycomyces*: Importancia de elegir las estirpes adecuadas. Arturo Pérez Eslava.

18:15 - 19:15

Conferencia Inaugural

Conferenciante: Axel Meyer, Department of Biology. University of Konstanz. Alemania.

19:15 - 20:45

Visita guiada a la ciudad de Girona

20:45

Inauguración Oficial y Copa de Bienvenida

Aula Magna de la Iglesia de Sant Domènec en el campus del barrio antiguo

Jueves 19 de septiembre

8:00 – 9:00

Registro y Recogida de Documentación

9:00 – 10:30

Sesiones paralelas

3. Genética de la Conservación y Biodiversidad.

Coordinador: José Luis García-Marín. Laboratori d'Ictiologia Genètica. Universitat de Girona.

Conferenciante: Rafael Zardoya, Museo Ciencias Naturales - CSIC, Madrid.

Un marco filogenético robusto para los anfibios.

Comunicaciones Orales:

Simulación de diferentes criterios de gestión de la diversidad génica y alélica en poblaciones subdivididas y su efecto sobre la respuesta a la selección. Ana Maria Vilas.

Genética de la conservación de la gamba roja, *Aristeus antennatus*: integramos los datos genéticos en la gestión de la pesquería?. Maria Inés Roldán.

Conectividad y conservación en organismos marinos: desafíos en un mundo cambiante. Marta Pascual

Identificación de unidades de gestión y conservación mediante marcadores moleculares en las poblaciones de espinoso (*Gasterosteus aculeatus*) de la península Ibérica. Núria Sanz

4. Biotecnología Animal

Coordinador: Marcel Amills, Departament de Genètica Animal. CRAG, CSIC-IRTA-UAB, Bellaterra.

Conferenciante: Luis Varona, Departamento de Anatomía, Embriología y Genética Animal, Universidad de Zaragoza.

Genotipado masivo y nuevas técnicas de manejo genético de poblaciones animales.

Comunicaciones Orales:

Análisis de la expresión diferencial de Micrnas Porcinos en la infección intestinal con salmonella Typhimurium. Juber Herrera

Análisis compuesto de asociación genómica con competencia de marcadores. Joaquim Casellas

Análisis de asociación genómico para caracteres relacionados con la calidad de la carne en cerdos Duroc. Rayner González.

Efecto de la suplementación con vitamina E en la expresión de genes relacionados con el metabolismo de la vitamina E en el músculo Thoracis de corderos ligeros. Laura González Calvo

10:30 – 10:55

Pausa/Café

11:00 – 12:00

Conferencia Plenaria

Conferenciante: Luciano di Croce. ICREA. Centre de Regulació Genòmica (CRG), Barcelona.

Gene regulation in stem cells

Programa

Jueves 19 de septiembre

12:15 - 13:45

Sesiones paralelas

5. Genómica

Coordinador: Mar Albà. Evolutionary Genomics Group. Universitat Pompeu Fabra, Barcelona.

Conferenciante: Fyodor Kondrashov. Centre de Regulació Genòmica (CRG) Barcelona.

A general model of long-term evolution in a multidimensional epistatic fitness landscape.

Comunicaciones Orales:

Descubrimiento y validación de SNPs en el transcriptoma de especies no modelo mediante secuenciación masiva: el caso de la anchoa Europea (*Engraulis encrasicolus*, L). Iratxe Montes

Avances logrados en el mapeo físico y genético del cariotipo del lenguado senegalés (*Solea senegalensis*, Kaup 1858). Laureana Rebordinos

InvFEST, una base de datos exhaustiva para la caracterización de las inversiones polimórficas humanas. Sonia Casillas

Utilización de técnicas de secuenciación masiva para generar nuevos marcadores moleculares y analizar el origen y evolución de las familias multigénicas del sistema quimiosensorial en arañas migalomorfas. Cristina Frías.

6. Genética y Biología Vegetal

Coordinador: María Pla. Institut de Tecnologia Agroalimentària. Universitat de Girona.

Conferenciante: Jordi García, Departament de Genètica Vegetal. CRAG, CASIC-IRTA-UAB. Bellaterra.

El genoma del melón: una nueva herramienta para el estudio de caracteres complejos de interés agronómico.

Comunicaciones Orales:

META Programas SAS para Análisis de Ensayos Multi Ambientales. Mateo Vargas.

Análisis genético cuantitativo de la tolerancia a Cry1Ab en poblaciones españolas de *Ostrinia nubilalis* (Hübner). Baltasar Escriche

Nuevos marcadores para selección asistida en fresa basados en la co-localización de QTLs y e-QTLs relacionados con el contenido de polifenoles en fruto maduro. Octavio Serra

Genética de la androesterilidad citoplásmico-genética en poblaciones derivadas de cruzamientos interespecíficos almendro (*Prunus dulcis*) x melocotonero (*P. persica*). Pere Arús.

14:00 - 15:20

Comida

15:30 – 17:00

Sesiones paralelas

7. Genética del Desarrollo

Coordinador: Lucas Sánchez. Centro de Investigaciones Biológicas, CIB-CSIC. Madrid.

Conferenciante: María Domínguez. UMH-CSIC Alicante.

Cooperación antagonística entre las vías de Notch y de Hedgehog en cáncer.

Comunicaciones Orales:

UNFINISHED FLOWER DEVELOPMENT (UFD), un regulador clave de la organogénesis floral en tomate (*Solanum lycopersicum* L.). Ana Ortíz

El desarrollo del meristemo floral influye en la formación del fruto, un proceso que en tomate depende del gen ENO (EXCESSIVE NUMBER OF FLORAL ORGANS). Antonia Fernández Lozano.

Chaperonas moleculares en la regulación sináptica. Elena Santana

La Troponina-I organiza la polaridad celular y es necesaria para el crecimiento tumoral. Sergio Casas.

8. Sesión Libre de Comunicaciones

Coordinador: José Luis Garcia-Marín. Laboratori d'ictiologia Genètica. Universitat de Girona.

Comunicaciones Orales:

Análisis genómico aplicado al estudio de la base genética de la composición de ácidos grasos en grasa intramuscular y subcutánea en cerdo. Ana Isabel Fernández Avila.

Perfil Del Transcriptoma Uterino En Una Población F2 Resultante De Un Cruce Ibérico × Meishan De Fenotipo Extremo Para La Capacidad Reproductiva. Sarai Cordoba.

Disección genética de la maduración del fruto en la línea climática SC3-5-1 de melón (*Cucumis melo* L.) Pablo Ríos.

Identificación y desarrollo de marcadores moleculares aplicables a la selección asistida del carácter subácido en melocotonero. Elena López Girona.

El diagnóstico genético como herramienta para la detección de mutaciones asociadas a patologías cardiovasculares y su aplicación como método de prevención en la muerte súbita cardíaca. Alexandra Pérez Serra.

17:00 – 19:00

Sesión de Paneles con presencia de los autores

19:00 – 19:30

Asamblea General de la SEG

19:30 – 20:30

Entrega Premios Nacionales de Genética 2013

21:00

Cena del Congreso

Programa

Viernes 20 de septiembre

9:30 - 11:00

Sesiones paralelas

9. Genética Humana

Coordinador: Jordi Surrallés. Departament de Genètica i Microbiologia, Universitat Autònoma de Barcelona.

Conferenciante: Nuria Montserrat, Centre de Medicina Regenerativa de Barcelona (CMRB) Barcelona.

Células madre de pluripotencia inducida en Medicina Regenerativa: modelaje de enfermedades de origen genético in Vitro.

Comunicaciones Orales:

Papel del gen FOXC1 en glaucoma congénito primario e infantil de herencia dominante.
Cristina Medina

Identificación mediante secuenciación exómica masiva de CXCR3 como posible gen implicado en glaucoma congénito primario. Jesús José Ferre

Análisis mediante RNA-Seq del transcriptoma de la retina humana. José Martín Nieto

Inactivación del gen ZNF257 que codifica un factor de transcripción por una inversión polimórfica en poblaciones asiáticas. Marta Puig Font

10. Expresión génica y Epigenética

Coordinador: Lucas Sánchez, Centro de Investigaciones Biológicas, CIB-CSIC. Madrid.

Conferenciante: Lluís Montoliu, CNIB-CSIC. Madrid.

Fronteras en nuestros genomas.

Comunicaciones Orales:

Papel de la proteína CLMP en la interacción entre epitelio intestinal y Campylobacter.
Carmen Aguilar

Análisis Genómico, Transcriptómico y Proteómico de esperma de dos especies de mejillón (Mytilus spp.) e híbridos. Monica Rodríguez

Estudio de la actividad y mecanismos de regulación de los elementos transponibles Helena y Osvaldo en híbridos interespecíficos de Drosophila buzzatii i Drosophila koepferae. Valeria Romero

Selección de genes de referencia para PCR cuantitativa en Anisakis simplex.
Rosa M^a. García-Junco

11:00 - 11:25

Pausa/Café

11:30 - 12:30

Conferencia de Clausura

Conferenciante: Manel Esteller Badosa. ICREA. Área de Epigenética del Cáncer. IDIBELL, Barcelona.

Epigenética: Conocimiento y Aplicaciones

12:45 - 14:00

Comida

14:00

Salida del Congreso

15:30 - 21:00

Excursión opcional a Banyoles/Besalú según solicitudes (mínimo 30), Precio por persona 15€.

P-11

CAMBIOS DEL POLIMORFISMO CROMOSÓMICO POR INVERSIONES EN POBLACIONES Balcánicas DE DROSOPHILA SUBOBSCURA Y SU RELACIÓN CON EL CALENTAMIENTO GLOBAL

Francisco Mestres Naval, Goran Zivanovic, Conchita Arenas Sola

P-13

VARIABILIDAD GENÉTICA DE POBLACIONES LOCALES DE MAÍZ (ZEA MAYS L.) DE NAVARRA

Jose Ignacio, Ruiz De Galarreta, Kora Madinabeitia

P-18

EVOLUCIÓN CROMOSÓMICA EN DROSOPHILA: ELEMENTO C DE MULLER

Dorcas J. Orengo Ferriz, Eva Puerma Rodriguez, David Salguero Bernal, Montserrat Aguade Porres, Carmen Segarra Robert, Montserrat Papaceit Vidal

P-21

UTILIZACIÓN DE BASES DE DATOS DE MUTAGÉNESIS INSERCIONAL EN PEZ CEBRA PARA LA IDENTIFICACIÓN DE GENES CANDIDATO EN UNA ESTRATEGIA SECUENCIACIÓN MASIVA DEL EXOMA DE PACIENTES DE GLAUCOMA CONGÉNITO

Jose Daniel Aroca Aguilar, Jesus José Ferre Fernandez, Cristina Medina Trillo, Francesc Castro Giner, Julian Garcia Feijoo, Julio Escribano Martínez

P-36

LA RESPUESTA A ESTRÉS POR FRÍO EN EL OLIVO (OLEA EUROPEA L.) SE PRODUCE MEDIANTE CAMBIOS TRANSITORIOS DE LA EXPRESIÓN GÉNICA A LA VEZ QUE POR CAMBIOS ADAPTATIVOS ESTABLES DURANTE LA PERSISTENCIA DEL ESTRÉS

María de la O Leyva Pérez, Antonio Valverde Corredor, Jaime Jiménez Ruiz, Antonio Muñoz Mérida, Oswaldo Trelles, Juan Bautista Barroso Albarracín, Jesús Mercado Blanco, Francisco Luque Vázquez

P-37

ESTUDIOS DE ASOCIACIÓN PARA LA COMPOSICIÓN DE ÁCIDOS GRASOS EN LA LECHE DE LA RAZA OVINA ASSAF Y GENES RELACIONADOS CON LA DESATURACIÓN (SCD, FADS1, FADS2) Y ELONGACIÓN (ELOVL5, ELOVL6) DE ÁCIDOS GRASOS DE CADENA LARGA

Laura González Calvo, Elda Dervishi, Malena Serrano Noreña, Francisco Molino Gahete, Pilar Sarto Aured, Margarita Joy Torrens, Jorge Hugo Calvo Lacosta

P-39

RESECUENCIACIÓN DE VARIETADES DE PEPINO (CUCUMIS SATIVUS) PARA EL DESCUBRIMIENTO DE SNPS APLICABLES A LA MEJORA GENÉTICA

Marta Pujol Abajo, Diego Bergareche Nieto, Walter Sanseverino, Jordi Quilis Blasi Torben Jahrmann, Jordi Garcia-Mas

P-40

APLICACIONES DE LA SECUENCIACIÓN MASIVA EN EL ÁMBITO BIOSANITARIO

Gloria Muñoz Martín, Cristina Nieto Higuera, Antonio Sánchez Herranz, Francisco J. del Castillo

P-41

ANÁLISIS COMPARATIVO DE LOS FACTORES GENÉTICOS QUE DETERMINAN LAS CONCENTRACIONES DE LÍPIDOS SÉRICOS EN HUMANO Y EN PORCINO

Arianna Manunza, Joaquim Casellas, Raquel Quintanilla, Anna Mercadé, Ramona Pena, Anna Castelló, Isabel Díaz, Marcel Amills

P-42

ANÁLISIS DE LA VARIABILIDAD DE LAS REGIONES REGULADORAS DE LOS GENES DE LAS CASEÍNAS EN UNA POBLACIÓN OVINA DE LA RAZA SARDA

Antonia Noce, Arianna Manunza, Michele Pazzola, Giuseppe Massimo Vacca, Maria Luisa Dettori, Marcel Amills

P-44

LA TÉCNICA PCR-RFLP COMO HERRAMIENTA EN LA GESTIÓN DEL CANGREJO DE RÍO AUSTROPOTAMOBIVUS ITALICUS, ESPECIE PROTEGIDA

Beatriz Matallanas, Carmen Callejas, Maria Dolores Ochando

P-46

CAMBIOS EN EL TRANSCRIPTOMA MUSCULAR DEPENDIENTES DEL TIPO GENÉTICO Y PESO AL DESTETE EN LECHONES IBÉRICOS

Cristina Óvilo Rita, Benítez Almudena Fernández, Ana Isabel Fernández, Carmen Rodríguez, Ana Isabel Rey, Beatriz Isabel, Luis Silió

P-47

ANÁLISIS TRANSCRIPTÓMICO PRELIMINAR DE LA RESPUESTA TEMPRANA DEL MEJILLÓN (MYTILUS GALLOPROVINCIALIS) A LA CONTAMINACIÓN POR ÁCIDO OCADAICO

María Verónica Prego Faraldo, María Victoria Suarez Ulloa, Juan Fernández Tajés, Jose María Eirín López, Josefina Méndez Felpeto

P-48

DESARROLLO DE MAPAS CITOGENÉTICOS MEDIANTE FISH-BAC EN LAS OSTRAS C. ANGULATA Y C. GIGAS Y APLICACIÓN DE NGS

Ismael Cross Pacheco, Helene Leclerc, Manuel Alejandro Merlo Torres, María Esther Rodríguez Jiménez, Laureana Rebordinos Gonzalez

P-49

IDENTIFICACIÓN DE REGIONES DEL GENOMA QUE REGULAN LA EXPRESIÓN GÉNICA EN MÚSCULO PORCINO (EGWAS)

Angel Mario Martinez Montes, Almudena Fernandez, M Carmen Rodríguez, Josep Maria Folch, Noelia Ibañez- Escriche, Ana Isabel Fernández

P-51

ESTIMACIÓN DEL CENSO EFECTIVO EN UNA POBLACIÓN AISLADA DE CERDO IBÉRICO A PARTIR DEL DESEQUILIBRIO DE LIGAMIENTO

María Saura, Beatriz Villanueva, John Woolliams, Albert Tenesa

P-52

DIVERSIDAD HAPLOTÍPICA EN LOS GENES PORCINOS LEP Y LEPR RELACIONADOS CON EL BALANCE ENERGÉTICO

Dafne Pérez-Montarelo, M. Carmen Rodríguez, Rita Benítez, Fabiá García, Luis Silió, Ana I. Fernández

Pósters

P-54

EFEECTO E INTERACCIÓN ENTRE POLIMORFISMOS DE GENES QUE INTERVIENEN EN LA CADENA DE ELONGACIÓN Y DESATURACIÓN DE ÁCIDOS GRASOS EN PORCINO

Romi Pena i Subirà, Marc Tor i Naudi, Roger Ros-Freixedes, Lluís Boschí Puig, Joan Estany i Illa

P-55

ANÁLISIS MULTILOCUS DEL CROMOSOMA J DE DROSOPHILA SUBOBSCURA: INFERENCIAS DEMOGRÁFICAS A TRAVÉS DE METODOLOGÍAS DE APPROXIMATE BAYESIAN COMPUTATION

Roser Pratdesaba Moreno, Carmen Segarra Robert, Montserrat Aguadé Porres

P-56

ANÁLISIS GENÓMICO DE CEPAS DE CLOSTRIDIUM DIFFICILE AISLADAS DE ANIMALES DOMÉSTICOS Y SALVAJES

Inmaculada Martín-Burriel, Frank Handers, Sara Andrés, Raúl Mainar-Jaime, Pilar Zaragoza, Rosa Bolea, Alex Bossers, Manuel Chirino-Trejo

P-58

POLIMORFISMO NUCLEOTÍDICO DE LOS GENES QUE CODIFICAN LAS PROTEÍNAS DEL COMPLEJO POLYCOMB PHORC EN DROSOPHILA SUBOBSCURA

Juanma Calvo Martín, Montserrat Aguadé Porres, Carmen Segarra Robert, Montserrat Papaceit Vidal

P-59

ANÁLISIS PROTEÓMICO DE LAS MODIFICACIONES INDUCIDAS POR ALTAS PRESIONES HIDROSTÁTICAS SOBRE PROTEÍNAS INMUNOREACTIVAS DE AVELLANA MEDIANTE CROMATOGRAFÍA LÍQUIDA BIDIMENSIONAL (PF-2D)

Núria Prieto, Carmen Burbano, Elisa Iniesto, Julia Rodríguez, Jesús F. Crespo, Juan Carlos Del Pozo, Rosario Linacero, Carmen Cuadrado

P-60

EXPRESIÓN GÉNICA EN ADIPOCITOS DE DIFERENTES DEPÓSITOS GRASOS Y SUS CORRESPONDIENTES CÉLULAS MESENQUIMALES PROGENITORAS: CONTRIBUCIÓN AL CONOCIMIENTO DEL DESARROLLO DEL TEJIDO ADIPOSEO

Arianne Sanz, Beatriz Ranera, Ana Rosa Remacha, Antonio Romero, José Francisco Vázquez, Laura Barrachina, Pilar Zaragoza, Clemens Rodellar

P-61

IDENTIFICACIÓN Y ANÁLISIS DE POLIMORFISMOS (SNPS) EN MICRORNAs RELACIONADOS CON PROCESOS REPRODUCTIVOS EN LA ESPECIE PORCINA

Sarai Cordoba Terreros, Ingrid Balcells Ortega, Oriol Timoneda Heredia, Armand Sanchez Bonastre

P-63

DETECCIÓN DE ALÉRGENOS DE FRUTOS SECOS EN ALIMENTOS PROCESADOS MEDIANTE PCR CUANTITATIVA: NUEZ Y PISTACHO

Yolanda Martínez, Laura Martín, Alejandro Llanos, Carmen Burbano, Jesús F. Crespo, Julia Rueda, Carmen Cuadrado, Rosario Linacero

P-66

IDENTIFICACIÓN DE QTLs INVOLUCRADOS EN LA ACUMULACIÓN DE AZÚCAR EN EL MELÓN

Jason Argyris, Jordi Garcia-Mas, Torben Jahrmann, Marta Fernández, Belén Pico, Yves Gibon

P-67

USO DE LA HAPLOTYPE-FUSION PCR PARA GENOTIPAR INVERSIONES POLIMÓRFICAS EN HUMANOS MEDIADAS POR DUPLICACIONES SEGMENTALES GRANDES

David Izquierdo Fontanills, Marta Puig Font, Mario Cáceres Aguilar

P-68

LA HISTORIA EVOLUTIVA DE 14 INVERSIONES POLIMÓRFICAS HUMANAS MEDIADAS POR REPETICIONES INVERTIDAS REVELA UN ALTO GRADO DE RECURRENCIA

Carla Giner-Delgado, Magdalena Gayà-Vidal, Cristina Aguado, Sergi Villatoro, David Izquierdo, Mario Cáceres

P-69

DETECCIÓN DE MUTACIONES EN DGKE EN PACIENTES CON AHUS

Daniel Sánchez Chinchilla, Sheila Pinto García, Luz Leticia Olavarrieta, Santiago Rodríguez de Córdoba

P-70

CONSECUENCIAS DE LA PURGA SOBRE EL INCREMENTO DE LA CONSANGUINIDAD Y LA PÉRDIDA DE DIVERSIDAD GENÉTICA

Diego Bersabé, Aurora García-Dorado

P-71

ESTRUCTURA ESPACIAL EN UN SISTEMA DE POLINIZACIÓN GENERALISTA: VECINDARIOS GENÉTICOS Y DIVERSIDAD GENÉTICA A ESCALA INTRAPOBLACIONAL

Javier Valverde, Cristina García, Juan Lorite, José M. Corral, Tim Sharbel, Noelia Jiménez, José M. Gómez, Francisco Perfectti

P-74

ANÁLISIS FUNCIONAL DEL POLIMORFISMO EN SECUENCIAS PROMOTORAS Y CODIFICANTES DE LOS GENES TLR2, TLR4 Y TLR5 PORCINOS

Miguel Ángel Domínguez, Vincenzo Landi, Luis Morera, Juan José Garrido

P-75

ANÁLISIS, VALIDACIÓN Y ESTUDIO POBLACIONAL DE LAS INVERSIONES ENTRE DOS GENOMAS HUMANOS

David Vicente-Salvador, Marta Puig, Cristina Aguado, David Izquierdo, Alexander Martínez-Fundichely, Magdalena Gayà-Vidal, Jose Ignacio Lucas-Lledó, Mario Cáceres

P-76

IDENTIFYING VACCINIUM SPECIES USING MICROSATELLITES MARKERS

Marcia Carvalho, Manuela Matos, Valdemar Carnide

P-79

CARTOGRAFÍA DE QTLs DE EFECTO INDIVIDUAL Y EPISTÁTICO PARA CARACTERES DE VAINA Y GRANO EN EL ACERVO GENÉTICO ANDINO DE JUDÍA (PHASEOLUS VULGARIS L.)

Fernando Juan Yuste-Lisbona, Ana María González, Manuel García-Alcázar, Carmen Capel, Antonio Miguel De Ron, Juan Capel, Marta Santalla, Rafael Lozano

- P-80**
RESPUESTA A ESTRÉS POR DAÑO MECÁNICO EN RAÍCES (OLEA EUROPEA L.)
Jaime Jiménez-Ruiz, María de la O Leyva-Pérez, Elisabetta Schilirò, Juan Bautista Barroso, Jesús Mercado-Blanco, Aureliano Bombarely, Lukas A. Mueller, Francisco Luque
- P-81**
CARACTERIZACIÓN GENÉTICA DE DOS ESTOCS REPRODUCTIVOS DEL CALAMAR ILLEX ARGENTINUS
Laia Planella Albí, Sandra Heras Mena, María Victoria Fernández Hernández, María Inés Roldán Borassi
- P-82**
PRODUCCIÓN DE PÉPTIDOS ANTIMICROBIANOS CATIONICOS EN PLANTAS MEDIANTE EXPRESIÓN CONSTITUTIVA Y ACUMULACIÓN EN EL RE. EFECTOS SOBRE LA PLANTA TRANSGÉNICA
Nuri Company, Anna Nadal, Maria Montero, Esther Badosa, Joaquima Messeguer, Laura Montesinos, Emili Montesinos, Maria Pla
- P-83**
CARACTERIZACIÓN GENÉTICA DE LA GAMBÚSIA (GAMBUSIA SPP) INTRODUCIDA EN EUROPA: ESTRUCTURA POBLACIONAL Y RUTAS DE COLONIZACIÓN
Rosa M. Araguas, Núria Sanz, Oriol Vidal, David Díez-del-Molino, Raquel Fernández-Cebrián, José-Luis García-Marín
- P-86**
ESTÁ RELACIONADO EL PEQUEÑO TAMAÑO DEL GENOMA DE LOS PECES PLANOS CON EL TAMAÑO DE LOS INTRONES?
Núria Pérez Bielsa, Laura^a Murillo Parra, Jordi Viñas
- P-87**
CARACTERIZACIÓN MOLECULAR DEL LOCUS AGOUTI EN CAVIA PORCELLUS
Joan Frigola Rissech, Oriol Vidal i Fàbrega
- P-89**
DINÁMICA GENÉTICA TEMPORAL EN POBLACIONES INVASORAS DE GAMBUSIA HOLBROOKI
David Díez-del-Molino, Rosa M. Araguas, Oriol Vidal, Núria Sanz, Jose Luis García-Marín
- P-90**
CONGRUENCIA EN LA DIVERGENCIA POBLACIONAL DE ARNICA MONTANA L. EN GALICIA EN BASE AL CONTENIDO EN PRINCIPIOS ACTIVOS (LACTONAS SESQUITERPÉNICAS) Y MARCADORES DE DNA CLOROPLASTÍDICOS
Ruth Camba, Rosa Romero, Manuel Rodríguez Guitian, Carlos Real, Carmen Bouza, Manuel Vera
- P-91**
CARACTERIZACIÓN DE GENES DE LA PIGMENTACIÓN EN RAZAS OVINAS IBÉRICAS
Oriol Vidal, Joaquim Casellas, Àgueda Pons, Luis Alberto Bermejo, Sílvia Adán, Arianna Manunza, Marcel Amills, Carles Pla
- P-92**
MARCADORES DE MICROSATÉLITES NUCLEARES PARA EVALUACIÓN DE LA DIVERSIDAD GENÉTICA DE LAS ESPECIES CUCURBITA DEL NORESTE DE PORTUGAL
Sandra Martins, Carlos Carvalho, Olinda Carnide, Valdemar Carnide
- P-94**
ESTADOS CROMATÍNICOS Y EVOLUCIÓN PROTEICA DE DROSOPHILA MELANOGASTER
Sergio González Rodríguez, David Castellano Esteve, Antonio Barbadilla Prados
- P-95**
IDENTIFICACIÓN DE MICROSATÉLITES USANDO NEXT GENERATION SEQUENCING
Luis Peñarrubia, Oriol Vidal, Carles Pla, Núria Sanz, Jordi Viñas
- P-96**
GENÉTICA INVERSA DEL DESARROLLO FOLIAR
David Wilson-Sánchez, Sara Jover Gil, José Manuel Pérez Pérez, Maria Rosa Ponce, Jose Luis Micol Molina
- P-97**
UNA COLECCIÓN DE MICROARN ARTIFICIALES DISEÑADOS CONTRA GRUPOS DE GENES PARÁLOGOS DE ARABIDOPSIS THALIANA
Sara Jover Gil, Jose Luis Micol, Maria Rosa Ponce Molet

Entidades colaboradoras:



Diputació de Girona

Girona

Patronat de Turisme
Costa Brava Girona



SEG 2013

GIRONA

18-20 de septiembre



Laboratori d'Ictiologia Genètica
Universitat de Girona